

FIȘA DISCIPLINEI

1. Date despre program

1.1 Instituția de învățământ superior	Univ. Babeș-Bolyai, Cluj-Napoca
1.2 Facultatea	Biologie și Geologie
1.3 Departamentul	Departamentul de Biologie și Ecologie al Liniei Maghiare
1.4 Domeniul de studii	Biologie
1.5 Ciclul de studii	Masterat (M.Sc.), 4 semestre, cu frecvență
1.6 Programul de studiu / Calificarea	Ecologie terestră și acvatică (în lb. maghiară)

2. Date despre disciplină

2.1 Denumirea disciplinei	Bioinformatică						
2.2 Titularul activităților de curs	Șef lucrări dr. Kósa Ferenc						
2.3 Titularul activităților de seminar	Șef lucrări dr. Kósa Ferenc						
2.4 Anul de studiu	2	2.5 Semestrul	3	2.6. Tipul de evaluare	Examen	2.7 Regimul disciplinei	Obl.

3. Timpul total estimat (ore pe semestru al activităților didactice)

3.1 Număr de ore pe săptămână	4	Din care: 3.2 curs	2	3.3 seminar/laborator	2
3.4 Total ore din planul de învățământ	182	Din care: 3.5 curs	28	3.6 seminar/laborator	28
Distribuția fondului de timp:					ore
Studiul după manual, suport de curs, bibliografie și notițe					51
Documentare suplimentară în bibliotecă, pe platformele electronice de specialitate și pe teren					38
Pregătire seminarii/laboratoare, teme, referate, portofolii și eseuri					25
Tutoriat					6
Examinări					6
Alte activități:					0
3.7 Total ore studiu individual			126		
3.8 Total ore pe semestru			182		
3.9 Numărul de credite			7		

4. Precondiții (acolo unde este cazul)

4.1 de curriculum	<ul style="list-style-type: none"> Nu sunt
4.2 de competențe	<ul style="list-style-type: none"> Nu sunt

5. Condiții (acolo unde este cazul)

5.1 De desfășurare a cursului	<ul style="list-style-type: none"> Nu sunt
5.2 De desfășurare a seminarului/laboratorului	<ul style="list-style-type: none"> lucrările de laborator sunt obligatorii. Recuperarea absențelor de la lucrările de laborator se poate face pe baza unei planificări convenite cu cadrul didactic.

6. Competențele specifice acumulate

Competențe profesionale	<ul style="list-style-type: none"> • Dobândirea capacității de a aborda (gândi) structura și funcția macromoleculor în termeni de secvențe biologice (nucleotidice și proteice) și de utiliza terminologia și metodele analitice ale bioinformaticii. • Obținerea unor deprinderi practice de utilizare a bazelor de date de secvență și de analiză bioinformatică a secvențelor prin utilizarea unor programe specifice.
Competențe transversale	<ul style="list-style-type: none"> • Abilitatea de a lucra în echipe de cercetare din domeniul științelor vieții • Capacitatea de a utiliza tehnici moderne de investigare în domeniul biologiei moleculare • Competențe digitale, prelucrarea primară a datelor și algoritimizarea lor prin reducerea la o schemă sau model, anticiparea unor rezultate. • Difuzarea și valorificarea sistematică a rezultatelor la nivel de proiect și program.

7. Obiectivele disciplinei (reieșind din grila competențelor acumulate)

7.1 Obiectivul general al disciplinei	<ul style="list-style-type: none"> • Asimilarea cunoștințelor de bază referitoare la stocarea, accesarea și analiza secvențelor biologice (de nucleotide și de aminoacizi).
7.2 Obiectivele specifice	<ul style="list-style-type: none"> • Obținerea unor deprinderi practice de utilizare a bazelor de date de secvență • însușirea deprinderilor practice de aliniere simplă și multiplă, de editare a secvențelor aliniată și de construire a arborilor filogenetici pe baza secvențelor de nucleotide și de aminoacizi. • însușirea practică a unor metode de vizualizare a proteinelor, acizilor nucleici și a complexelor de macromolecule

8. Conținuturi

8.1 Curs	Metode de predare	Observații
1. Introducere Ce este bioinformatica? Scopul. Principalele domenii de aplicație a bioinformaticii. Proiectele genomice. Tendințe în bioinformatică.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
2. Introducere în bazele de date biologice. Ce este o bază de date? Tipuri de baze de date. Baze de date biologice: baze de date cu secvențe nucleotidice, baze de date cu secvențe proteice, cu structuri proteice, baze de date cu genomuri. Baze de date specializate.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
3. Căutarea și extragerea informațiilor din bazele de date: ENTREZ, Sequence Retrieval System (SRS),	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore

Protein Identification Resource (PIR), ExPASy.		
4. Introducere în analiza secvențelor biologice Manipularea și verificarea datelor folosite în analiza secvențelor.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
5. Alinierea secvențelor Principiul “pairwise sequence alignment”. Dotploturile și alinierea secvențelor. Măsurarea similarității a secvențelor.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
6. Căutarea similarităților în bazele de date. Metode de căutare: algoritmi FASTA și BLAST.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
7. Alinierea multiplă a secvențelor Metode. Metoda alinierii progressive: folosirea programului ClustalW. Metoda alinierii bazate pe compararea segmentelor: dialign2. Alinierea bazată pe găsirea unor motive: utilizarea programului MEME. Vizualizarea alinierilor multiple.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
8. Filogenie moleculară I. Evoluția moleculară și filogenia moleculară. Arbori filogenetici.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
9. Filogenie moleculară II. Metode și programe pentru elaborarea arborelor filogenetici.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
10. Predicții genice (predicții făcute pe baza secvențelor nucleotidice). Predicția elementelor funcționale, reglatoare și promotor, predicția regiunilor care codifică proteine, predicția zonelor care separă exonii de intronii.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
11. Bioinformatică structurală I. Structura proteinelor. Determinarea structurilor 3D a proteinelor. Vizualizarea structurilor proteice. Compararea și clasificarea structurilor proteice. Evoluția structurilor proteice.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
12. Bioinformatică structurală II. Predicția structurii secundare a proteinelor. Predicția structurii terțiare a proteinelor. Predicția funcțiilor proteinelor. Predicția structurii ARN-ului.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
13. Proteomica I. Metode de analiză a expresiei proteice. ADN microarray.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore
14. Proteomica II. Rețele celulare. Caracteristicile rețelelor autoreglatoare. Rețele bazate pe interacțiunea proteinelor.	Activitate frontală, problematizare, conversație, prezentare multimedia	2 ore

Bibliografie

András Budinszky, Péter Gál, Sándor Pongor: Introduction to Bioinformatics, Pázmány Péter Katolikus Egyetem, Semmelweis Egyetem és a Dialóg Campus Kiadó-Nordex Kft. által alkotott konzorcium, 2011
https://www.tankonyvtar.hu/hu/tartalom/tamop425/0006_Bevezetes_a_bioinformatikaba/adatok.html

Antal Péter, Hullám Gábor, Millinghoffer András, Hajós Gergely, Marx Péter, Arany Ádám, Bolgár Bence, Gézsi András, Poppe László, Sárközy Péter: Bioinformatika: molekuláris mérés technikától az orvosi döntéstámogatásig, BME, 2014
https://www.tankonyvtar.hu/hu/tartalom/tamop412A/2011_0079_antal_bioinformatika/adatok.html

Lesk, A.M. (2005): Introduction to Bioinformatics. 2nd Edition, Oxford University Press.

Szalai Csaba, Antal Péter, Falus András, Oberfrank Ferenc: Orvosi genomika és bioinformatika, Semmelweis Egyetem, 2012

https://www.tankonyvtar.hu/hu/tartalom/tamop412A/2010-0008_orvosi_genomika/orvosi_genomika_vegleges_v2_1_1.html

Szilágyi, A.: Bevezetés a bioinformatikába. <http://www.enzim.hu/~szia/bioinformatika>

Xiong, J. (2006): Essential Bioinformatics. Cambridge University Press

8.2 Seminar / laborator	Metode de predare	Observații
1. Probleme organizatorice. Introducere: prezentarea ftp, www, scp, email.	conversație, prezentare multimedia	2 ore
2. Prezentarea celor mai importante baze de date biologice	Prezentare frontală, conversație, analiză, experimentare, modelare, problematizare	2 ore
3. Căutarea și extragerea informațiilor biologice: prezentarea NCBI-Entrez, căutarea bibliografiei în PubMed. Link-uri din PubMed către alte baze de date Entrez. Căutări în bazele de date Entrez.	Prezentare frontală, conversație, analiză, experimentare, modelare, problematizare	2 ore
4. Prezentarea sistemului de căutare SRS (Sequence Retrieval System). Căutări simple în SRS. Căutări complexe în SRS. Folosirea unor programe externe din SRS. Extragerea secvențelor din SRS.	Prezentare frontală, conversație, analiză, experimentare, modelare, problematizare	2 ore
5. Bazele analizei secvențelor. Manipularea secvențelor, tipuri de formate a secvențelor depozitate. Programe de analiză a secvențelor și modul de folosirea a lor.	Prezentare frontală, conversație, analiză, experimentare, modelare, problematizare	2 ore
6. Utilizarea băncilor de date genomice. Secvențe genomice pe web. Prezentarea sistemului Ensemble. Căutări în genomuri. Compararea unor regiuni genomice.	Prezentare frontală, conversație, analiză, experimentare, modelare, problematizare	2 ore
7. Compararea secvențelor. Metode dot-plot.	Prezentare frontală, conversație, analiză, experimentare, modelare, problematizare	2 ore
8. Căutarea similarităților în bazele de date ce conțin secvențe. Folosirea programelor FASTA3 și BLAST.	Prezentare frontală, conversație, analiză, experimentare, modelare, problematizare	2 ore
9. Aliniere multiplă a secvențelor. Identificarea domeniilor în structura proteinelor.	Prezentare frontală, conversație, analiză, experimentare, modelare, problematizare	2 ore
10. Analize filogenetice. Prezentarea programelor MEGA7 și Unipro UGENE	Prezentare frontală, conversație, analiză, experimentare, modelare, problematizare	2 ore
11. Structura proteinelor. Prezentarea bazei de date PDB. Căutarea structurilor. Vizualizarea structurilor 3D: folosirea programelor Rasmol, Rastop, Kinemage, SwissPDBViewer.	Prezentare frontală, conversație, analiză, experimentare, modelare, problematizare	2 ore
12. Predicția structurii proteice. Folosirea programului PredictProtein (PHD) pentru predicția structurii	Prezentare frontală, conversație, analiză,	2 ore

secundare, SBASE pentru predicția domeniilor, DAS pentru predicția regiunilor transmembranare și DeepView (Swiss PDBViewer).	experimentare, modelare, problematizare	
13. Analiza rețelelor celulare și a interacțiunilor interproteice. Utilizarea programului Cytoscape.	Prezentare frontală, conversație, analiză, experimentare, modelare, problematizare	2 ore
14. Prezentarea referatelor.	Conversație și analiza datelor obținute	2 ore
Bibliografie http://bioinformatika.wordpress.com/		

9. Coroborarea conținuturilor disciplinei cu așteptările reprezentanților comunității epistemice, asociațiilor profesionale și angajatori reprezentativi din domeniul aferent programului

Disciplina pune accentul asupra implicațiilor bioinformaticii în diferite domenii (medicină, evoluționism etc.) și asupra însușirii principiilor metodologice și a principalelor tehnici de prelucrare computerizată a secvențelor de nucleotide și de aminoacizi.

10. Evaluare

Tip activitate	10.1 Criterii de evaluare	10.2 metode de evaluare	10.3 Pondere din nota finală
10.4 Curs	Evaluarea gradului de însușire a cunoștințelor teoretice	Examen scris	60%
	Evaluarea capacității de sinteză	prezentare unui referat	20%
10.5 Seminar/laborator	Evaluarea gradului de însușire a deprinderilor practice de aliniere simplă și multiplă, de editare a secvențelor alinate și de construire a arborilor filogenetici pe baza secvențelor de nucleotide și de aminoacizi.	Examen practic	20%
10.6 Standard minim de performanță			
<ul style="list-style-type: none"> 45% din performanța maximă posibilă de 100% 			
Puncte	Notă		
45 - 55 p.	5		
55 - 65 p.	6		
65 - 75 p.	7		
75 - 85 p.	8		
85 - 95 p.	9		
95 - 100 p.	10		

Data completării

01.10. 2017.....

Semnătura titularului de curs

șef lucr. dr. Kósa Ferenc

Semnătura titularului de seminar

șef lucr. dr. Kósa Ferenc

Data avizării în departament

.....2017

Semnătura directorului de departament

șef lucr dr. László Zoltán